

Animal : **Wulkan I V Od Uhoste**

N° d'identification :	993 011 200 097 082	Propriétaire :	Laetitia et Guillaume WENTZEL BRISWALTER
Race :	Chien Loup Tchèque slovaque	N° de prélèvement :	E01018792 (prélevé le 30/06/2026)
Sexe :	Mâle	Code résultat :	A00147636
Date de naissance :	17/11/2024	Type prélèvement :	Frottis buccal
Pedigree :		Préleveur :	Rodolphe WURTZ (Vétérinaire - N° d'ordre : 15958)
			Prélèvement authentifié
Résultat établi le :	20/07/2026	Document établi le :	20/07/2026

MALADIES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Myélopathie Dégénérative (DM)	SOD1 c.118G>A	Autosomique récessif	Hétérozygote	✓	!
Nanisme Hypophysaire	LHX3 7pb del intron 5	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Déficit en Adénine Phosphoribosyltransférase	APRT c.260G>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Sensibilité Médicamenteuse MDR1 (ABCB1)	MDR1 (ABCB1) c.227_230delATAG	Autosomique codominant	Homozygote normal	✓	✓

EXPLICATIONS	EXPRESSION	TRANSMISSION
Homozygote normal : l'animal possède 2 copies normales du gène.	✓ L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
Hétérozygote : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.	! L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.
Homozygote muté : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.		

Animal : **Wulkan I V Od Uhoste**

N° d'identification :	993 011 200 097 082	Propriétaire :	Laetitia et Guillaume WENTZEL BRISWALTER
Race :	Chien Loup Tchèque Slovaque	N° de prélèvement :	E01018792 (prélevé le 30/06/2026)
Sexe :	Mâle	Code résultat :	A00147636
Date de naissance :	17/11/2024	Type prélèvement :	Frottis buccal
Pedigree :		Préleveur :	Rodolphe WURTZ (Vétérinaire - N° d'ordre : 15958)
			Prélèvement authentifié
Résultat établi le :	20/07/2026	Document établi le :	20/07/2026

Les résultats des caractères morphologiques ne permettent pas de déterminer précisément l'apparence de l'animal, mais vous informent sur leur transmission à la descendance.

CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES

	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT
Locus B - Marron			Non Porteur Marron (B/B)
b ^a	TYRP1 c.555T>G	Autosomique récessif	B/B
b ^c	TYRP1 c.121T>A	Autosomique récessif	B/B
b ^d	TYRP1 c.1033_1035del	Autosomique récessif	B/B
b ^e	TYRP1 c.1025T>G	Autosomique récessif	B/B
b ^s	TYRP1 c.991C>T	Autosomique récessif	B/B
Locus E - Extension			Non Porteur Jaune (E/E)
e	MC1R c.916C>T	Autosomique récessif	E/E
e ²	MC1R g.63695679C>G	Autosomique récessif	E/E
e ³	MC1R c.816_817delCT	Autosomique récessif	E/E
Locus I - Intensité (i)	MFSD12 c.151C>T	Autosomique récessif	Intensité forte à modérée (porteur I/i)
Longueur du Pelage			Non porteur poil long
L1	FGF5 c.284G>T	Autosomique récessif	PC/PC
Poil Bouclé ou Ondulé (c ¹)	KRT71 c.451C>T	Autosomique dominant	Poil bouclé ou ondulé (C/c¹)
Polydactylie	LMBR1 DC-2	Autosomique dominant	Non porteur de polydactylie
Shedding	MC5R g.24430748C>T	Autosomique codominant	Chute de poils abondante